

EVALUACIÓN GENÉTICA NACIONAL DEL VACUNO FRISÓN ESPAÑOL

Las evaluaciones genéticas nacionales del vacuno frisón español son calculadas íntegramente en CONAFE mediante el método BLUP Modelo Animal, que garantiza la máxima probabilidad de evaluar y ordenar los toros de forma correcta.

MÉTODO BLUP MODELO ANIMAL

Las características más importantes del Modelo Animal son las siguientes:

- Evaluación simultánea de toros y vacas. De esta manera, al calcular la prueba de un toro a partir de los datos de sus hijas se puede tener en cuenta cuál es el mérito genético de las madres. Así se corrige el hecho de que los mejores toros se inseminen sobre las mejores vacas (acoplamiento preferencial).

En la evaluación genética de un animal se utiliza su propia información (calificación o lactación corregida por los efectos no genéticos que influyen en ella) y la de todos sus parientes (ancestros, contemporáneos y descendientes). Esto supone que se incluye la información de las familias de vacas.

- Para valorar la información propia de una vaca, se tiene en cuenta el nivel genético medio de las contemporáneas con las que la comparamos.
- La influencia de cada pariente depende del grado de parentesco, pero a medida que aumenta la descendencia de un animal, el peso de la información del resto de los parientes disminuye.
- La inclusión de las relaciones de parentesco permite aumentar la precisión del índice genético. Esto es especialmente importante para toros con pocas hijas. Para las vacas, asegura una mejor comparación de los índices calculados en diversos rebaños.

INTERPRETACIÓN DE LOS ÍNDICES GENÉTICOS DE TOROS Y VACAS

Los índices genéticos calculados para toros y vacas corresponden a su valor reproductivo o valor de su genotipo para el carácter considerado. Por tanto, se espera que un toro transmita por término medio a su descendencia la mitad del valor publicado en este catálogo. Los Índices de Vaca son totalmente comparables con las pruebas de los toros, ya que están expresados sobre la misma base y escala.

ÍNDICES DE PEDIGRÍ

Todo animal recibe la mitad de los genes de su padre y la otra mitad de su madre. Por ello, se puede estimar el índice genético de animales jóvenes sin prueba a partir de los índices genéticos de sus padres.

A esta estimación se le llama Índice de Pedigrí:

$$\text{Índice de Pedigrí} = 1/2 * (\text{Prueba española del padre}) + 1/2 * (\text{Prueba española de la madre})$$

Es usado por los centros de inseminación artificial para elegir los toros jóvenes a genotipar. A nivel de rebaño sirve para seleccionar las novillas de reposición en aquellas explotaciones que no genotipan su cría.

REQUISITOS DE PUBLICACIÓN PARA PRUEBAS DE DESCENDENCIA

Tanto en producción como en tipo, se exigen 20 hijas en diez rebaños para los toros nacionales o aquellos en testaje simultáneo con algún programa de testaje nacional y 75 hijas españolas en 50 rebaños para los toros extranjeros. En estos últimos también se exige que tengan prueba en otro país.

En las pruebas de recuento de células somáticas de los toros, el requisito para que su prueba sea OFICIAL y se publique es que tengan 20 hijas en 10 rebaños y prueba en producción.

Para que un toro tenga Prueba Oficial de Longevidad, en los toros españoles se exige que tenga fiabilidad del 50% y 10 rebaños, en los extranjeros se exige adicionalmente 75 hijas en 50 rebaños.

Para que un toro tenga Prueba Oficial de Días Abiertos, se exige que tenga 20 hijas en 10 rebaños o que el toro tenga prueba oficial de producción, tipo y recuento de células somáticas.

Para que un toro tenga Prueba Oficial de Velocidad de Ordeño, el requisito es que tenga 20 hijas en 10 rebaños, para los toros nacionales o en testaje simultáneo con algún programa de testaje nacional. Para los toros extranjeros se exigen 75 hijas españolas en 50 rebaños.

El toro debe haber sido registrado en CONAFE.

En cuanto a los Índices de Vaca, CONAFE elabora informes después de cada evaluación y los envía a todos los ganaderos, bien directamente o bien a través de sus Asociaciones o Federaciones autonómicas correspondientes.

El requisito de un mínimo de 20 hijas en 10 rebaños exigido para publicar los índices genéticos de los toros españoles, se refiere solo a los toros que no tienen prueba genómica. Si el toro tiene prueba genómica, que es el caso de la mayoría, ya no se exige dicha condición.

Desde el momento en que un toro tiene prueba genómica, la prueba oficial ya no es la prueba de descendencia, sino el valor combinado entre las dos pruebas. Los requisitos para publicar las pruebas combinadas están detallados en el apartado 4 de la metodología de la Evaluación Genómica de la Raza Holstein en España.

BASE GENÉTICA DE REFERENCIA

Los índices genéticos de toros y vacas están expresados como desviaciones al nivel genético medio de las vacas nacidas hace diez años (que se ha establecido como cero). La base de referencia será móvil, y se actualizará en las evaluaciones de junio.

FIABILIDAD

La fiabilidad mide la exactitud de los índices genéticos calculados. Depende fundamentalmente de la heredabilidad, el genotipo, número de hijas, de su distribución por los rebaños y del número de compañeras en cada grupo de comparación, pero también se ve influenciada por la información de los parientes más cercanos incluyendo si estos tienen valoración genómica. En las pruebas de producción las lactaciones extendidas reciben distinto peso según los días en lactación.

En el caso de las vacas, la fiabilidad depende de su propia información (número de lactaciones o calificaciones y número de compañeras en el grupo de comparación) y de la de sus parientes.

En longevidad, la fiabilidad se basa en el número de hijas con datos completos, la heredabilidad y la fiabilidad de las pruebas de sus ancestros machos.

DATOS UTILIZADOS

En la evaluación genética nacional se utilizan los datos del Control Lechero Oficial y los datos de calificaciones disponibles a mediados de mayo para la evaluación que CONAFE publica en junio y a mediados de octubre para la evaluación que publica en noviembre.

EVALUACIÓN DE CARACTERES DE PRODUCCIÓN

Los caracteres que se evalúan son: producción de kg de leche, kg de grasa y kg de proteína. Los porcentajes de grasa y proteína se calculan indirectamente a partir de los valores genéticos de kg de leche, grasa y proteína.

Se utilizan lactaciones terminadas y lactaciones en curso de al menos 65 días en lactación y dos controles, si la fecha de parto es igual o posterior a 2019. Para partos anteriores a 2019, se mantiene la exigencia de 215 días en lactaciones finalizadas y dos controles y 65 días para lactaciones en curso. En ambos casos se calcula en CONAFE la producción extendida a 305 días a partir de los datos de los controles mensuales reales y de los predichos mediante

la metodología de extensión de la lactación. En aquellas lactaciones con 305 días o más no es necesario extender la lactación. No se incluyen las lactaciones de las vacas del registro auxiliar, ni aquellas de partos superiores al quinto.

Se ha utilizado un modelo animal en el que se tienen en cuenta los siguientes factores no genéticos que influyen sobre las producciones:

- **Manejo:** Dentro de cada rebaño, comparamos entre sí a las vacas con manejo similar. De esta manera, se corrigen las diferencias en producción debidas a cambios en el manejo del rebaño (como alimentación, alojamientos, etc.). Estos grupos de comparación se constituyen dentro de cada rebaño en función del año. Según el número de lactaciones disponibles en un rebaño y año, este se podrá subdividir o no según vacas importadas o españolas, parto (1 o superior) y época de parto de las vacas.
- **Número de lactación y edad al parto:** Al corregir este efecto es como si todas las vacas estuvieran en la misma lactación y hubieran parido a la misma edad. Se realiza distinto ajuste según zona (Cornisa Cantábrica, incluyendo Galicia, Asturias, Cantabria y País Vasco, y resto de España), período y nivel de producción del rebaño en primer parto.
- **Mes de parto:** Al ajustar por este factor se están teniendo en cuenta las distintas condiciones climáticas que soporta un animal según su época de parto y es como si todas las vacas hubieran parido en el mismo mes. Se realiza distinto ajuste según parto (1 o superior), zona (Cornisa Cantábrica y resto), período y nivel de producción del rebaño en primer parto.
- **Efecto ambiental permanente:** Al considerar todas las lactaciones disponibles de cada vaca y conociendo la repetibilidad de las producciones alcanzadas en las distintas lactaciones de una vaca, podemos separar la influencia de algunos efectos ambientales que afectan al animal a lo largo de toda su vida productiva, pero que no se transmiten a la descendencia.

Ajustando por estos factores no genéticos y teniendo en cuenta la información de los familiares, se obtienen los valores genéticos de los animales. Cuando el padre y/o madre no se conocen, se definen grupos de padres y/o madres desconocidos en función de su probable nivel genético, que se establece en función del sexo, origen y año de nacimiento de los hijos (grupos genéticos).

Las heredabilidades consideradas en el análisis han sido 0,28 para la producción de kg de leche, grasa y proteína. Las repetibilidades consideradas han sido 0,50 para kg de leche, grasa y proteína.

En el cálculo de las pruebas las lactaciones extendidas reciben distinto peso según los días en lactación.

Simultáneamente a la evaluación genética se realiza el ajuste de la heterogeneidad de varianzas, asumiendo un modelo multiplicativo. Se establece como variabilidad de referencia la de las vacas paridas en 2002.

EVALUACIÓN DE CARACTERES DE TIPO

Se evalúan los 17 caracteres lineales y el carácter general Miembros y Aplomos. Los caracteres lineales son los recomendados por la federación mundial de Holstein-friséon, y evaluados por INTERBULL más el carácter Colocación de Pezones Posteriores. A partir de estas evaluaciones genéticas se calculan unos índices sintéticos: Índice de Capacidad (ICAP), Índice de Patas y Pies (IPP), Índice Compuesto de Ubre (ICU) e Índice Global de Tipo (IGT), obtenidos a partir de las pruebas de los rasgos lineales y evaluados por INTERBULL.

La evaluación genética está basada en las calificaciones realizadas por los calificadores de CONAFE mediante el Método Lineal. Los datos anteriores a 1984 no han sido considerados en este análisis porque no fueron recogidos mediante el sistema lineal. Tampoco se incluyen los realizados entre 1984 y 1991, ambos inclusive, por ser anteriores a la armonización de la calificación a nivel internacional. Solamente se incluyen primeras calificaciones realizadas en los 4 primeros partos y no se incluyen las calificaciones de las vacas del registro auxiliar.

En el carácter Miembros y Aplomos, se aplica la transformación de Snell para transformar la escala categórica a una escala de 0 a 100, teniendo en cuenta la frecuencia de cada categoría. Se aplica un modelo multicarácter entre todos los caracteres evaluados.

Se ha utilizado un modelo animal en el que se tienen en cuenta los siguientes factores no genéticos que influyen en la calificación de la vaca:

- **Rebaño-visita-calificador:** Dentro de cada rebaño comparamos entre sí a las vacas que han sido calificadas en la misma visita y por el mismo calificador.
- **Ronda-Calificador-Parto (1 o superior):** Este efecto se introduce para tener en cuenta algunos cambios en las definiciones y las formas de calificar de los caracteres lineales a lo largo de los últimos años debido a la armonización internacional, teniendo en cuenta que estos cambios han podido afectar de distinta forma a los datos de distintos calificadores y distintos partos.
- **Número de lactación y edad en el momento de la calificación:** Al considerar este factor es como si todas las vacas hubieran sido calificadas en la misma lactación y a la misma edad. Se realiza distinto ajuste según zona (Cornisa Cantábrica y resto) y nivel de producción del rebaño en primer parto.
- **Estado de lactación en el momento de la calificación:** Al ajustar este efecto es como si todas las vacas hubieran sido calificadas en el mismo estado de lactación. Se realiza distinto ajuste según parto (1 o superior), zona (Cornisa Cantábrica y resto) y nivel de producción del rebaño en primer parto.

Ajustando por estos factores y teniendo en cuenta la información de los familiares a través de la genealogía, se obtienen los valores genéticos de los animales. Cuando el padre y/o madre no se conocen, se definen grupos de padres y/o madres desconocidos en función de su probable nivel genético, que se establece en función del sexo, origen y año de nacimiento de los hijos (grupos genéticos).

Para presentar los resultados, los índices genéticos de tipo se estandarizan a una varianza común, la de los toros publicados en el catálogo, de tal manera que todos los caracteres se expresen con la misma escala de variación.

En cuanto a las heredabilidades utilizadas en el análisis, éstas son las que aparecen en el siguiente cuadro.

Cuadro 1. Heredabilidades Caracteres de tipo

Estatura (Est)	0,40	Inserción Anterior (IA)	0,21
Anchura de Pecho (Pe)	0,18	Inserción Posterior (AIP)	0,22
Profundidad Corporal (PC)	0,27	Ligamento (Lig)	0,20
Anchura de Grupa (Gr)	0,33	Profundidad de Ubre (PU)	0,29
Ángulo de Grupa (AnG)	0,32	Colocación de Pezones Anteriores (CPA)	0,28
Angulosidad (Angul)	0,24	Colocación de Pezones Posteriores (CPP)	0,23
Vista Lateral de Patas (VLP)	0,13	Longitud de Pezones (LP)	0,30
Vista Posterior de Patas (VPP)	0,16	Miembros y Aplomos (MA)	0,18
Ángulo Podal (AnP)	0,13	Movilidad (Mov)	0,12

Cuadro 2. Desviaciones Típicas utilizadas para estandarización de las pruebas de tipo

Estatura (Est)	13,08	Inserción Anterior (IA)	9,22
Anchura de Pecho (Pe)	4,58	Inserción Posterior (AIP)	8,90
Profundidad Corporal (PC)	6,08	Ligamento (Lig)	7,94
Anchura de Grupa (Gr)	7,04	Profundidad de Ubre (PU)	9,11
Ángulo de Grupa (AnG)	7,46	Colocación de Pezones Anteriores (CPA)	9,13
Angulosidad (Angul)	8,82	Colocación de Pezones Posteriores (CPP)	8,18
Vista Lateral de Patas (VLP)	4,67	Longitud de Pezones (LP)	7,28
Vista Posterior de Patas (VPP)	4,31	Miembros y Aplomos (MA)	4,14
Ángulo Podal (AnP)	4,11	Movilidad (Mov)	4,79
Calidad de hueso (CH)	7,07		

EVALUACIÓN DE RECUENTO DE CÉLULAS SOMÁTICAS

Se utilizan sólo las lactaciones terminadas y las lactaciones en curso válidas para la evaluación genética de los caracteres de producción. A dichas lactaciones se les exige que tengan como mínimo un control de recuento celular válido y que el primer control de recuento de células somáticas válido esté entre 5 y 67 días desde la fecha del parto. No se incluyen las lactaciones de las vacas del registro auxiliar, ni aquellas de partos superiores al quinto.

Los recuentos celulares de cada control se transforman a una escala lineal de 1 a 9 mediante una transformación logarítmica según la siguiente expresión:

$$RCST = \log_2 \left[\frac{RCS}{100.000} \right] + 3$$

Los datos de control a control del recuento de células somáticas varían según una serie de factores ambientales. El estado de lactación, el mes del control son los factores más significativos. El estado de lactación ha sido definido considerando cada intervalo de 10 días como un nivel durante los 30 primeros días después del parto, luego el intervalo se aumenta a 30 días, salvo el último que tiene 35 días. El mes de control es el mes correspondiente del año en el cual se hizo el control. Por ello, el cálculo de una media aritmética de los controles de RCST como medida resumen por lactación viene precedido por un pre-ajuste de los controles diarios por el estado de lactación y el mes del control. En ambos ajustes se distingue entre lactaciones de primer parto y lactaciones posteriores.

La media calculada se llama recuento de células somáticas por lactación (RCSL):

$$RCSL_i = \sum_{j=1}^K \frac{RCST_{ij}}{K}$$

RCSL_i: Recuento de células somáticas en la lactación i.

RCST_{ij}: Los controles de RCST de la lactación i

k: Número de controles en la lactación i.

Se ha utilizado un modelo animal en el que se tienen en cuenta los siguientes factores no genéticos que influyen sobre la medida de recuentos de células somáticas por lactación:

- **Manejo:** Dentro de cada rebaño, comparamos entre sí a las vacas con manejo similar. De esta manera, se corrigen las diferencias en RCSL debidas a cambios en el manejo del rebaño (como limpieza, higiene, alojamientos, etc.). Estos grupos de comparación se constituyen dentro de cada rebaño según la cercanía entre sus fechas de parto.
- **Número de lactación y edad al parto:** Al corregir este efecto es como si todas las vacas estuvieran en la misma lactación y hubieran parido a la misma edad.
- **Mes de parto:** Al ajustar por este factor se están teniendo en cuenta las distintas condiciones climáticas que soporta un animal según su época de parto y es como si todas las vacas hubieran parido en el mismo mes.
- **Efecto ambiental permanente:** Al considerar todas las lactaciones disponibles de cada vaca y conociendo la repetibilidad de RCSL alcanzadas en las distintas lactaciones de una vaca, podemos separar la influencia de algunos efectos ambientales que afectan al animal a lo largo de toda su vida productiva, pero que no se transmiten a la descendencia.

Ajustando por estos factores no genéticos y teniendo en cuenta la información de los familiares, se obtienen los valores genéticos de los animales. Cuando el padre y/o madre no se conocen, se definen grupos de padres y/o madres desconocidos en función de su probable nivel genético, que se establece en función del sexo, origen y año de nacimiento de los hijos (grupos genéticos).

En el cálculo de las pruebas, las lactaciones reciben distinto peso según el número de controles válidos de recuento de células somáticas utilizados en el cálculo de la media resumen de dicha lactación.

La heredabilidad y la repetibilidad del RCSL utilizadas fueron estimadas sobre una muestra de los datos. La heredabilidad es igual a 0,18 y la repetibilidad es igual a 0,37.

Las pruebas se publican multiplicadas por -1 de forma que los mejores animales son los que tienen el valor genético más alto. Se presentan con una escala de media 100 y desviación típica 10, es decir entre 70 y 130. A mayor valor de la prueba de un toro, menor recuento de células somáticas tendrán sus hijas debido a la genética. El valor de una desviación típica es de 0,420 unidades de la escala lineal de 1 a 9.

EVALUACIÓN DE LONGEVIDAD FUNCIONAL

El carácter evaluado es la longevidad funcional medida como el período de tiempo transcurrido desde el primer parto de la vaca hasta el final de su vida productiva.

Se ha empleado el método BLUP pero con las siguientes peculiaridades:

- **Modelo Padre-Abuelo materno.** A diferencia del modelo animal, aquí solo se valoran los machos. Mediante este modelo, un toro se valora en función de la información de sus hijas y de la de todos sus parientes machos. Se han incluido los grupos genéticos de padres y abuelos maternos cuya fecha de nacimiento exacta u origen son desconocidos. Estos grupos se establecen en función del año de nacimiento y nivel genético de sus descendientes.
- Se ha aplicado el Análisis de Supervivencia que permite combinar la información de vacas que han terminado su vida productiva ("datos completos") con la de aquellas vacas que aún están produciendo ("datos censurados").

Los factores no genéticos que contempla el modelo son:

- **Grupo de comparación Rebaño-Año:** Para Comparar vacas con manejo similar dentro de un mismo rebaño.
- **Edad al primer parto:** Para corregir la diferencia que existe debido a diferentes edades al primer parto.
- **Lactación-Estado de lactación:** Para tener en cuenta las diferentes lactaciones de cada vaca, así como las diferentes fases dentro de cada lactación. Se han considerado como máximo cinco lactaciones.
- **Cambio de Tamaño del Rebaño:** Al incluir este factor, es como si el tamaño de los rebaños fuera estable a lo largo de los años y la longevidad no se ve afectada por este efecto.
- **Producción de Leche, Grasa y Proteína:** Incluyendo estos efectos corregimos la incidencia de los niveles de producción sobre la longevidad. Se han considerado distintos factores de corrección de los caracteres productivos para primera lactación y para lactaciones sucesivas.
- **Región:** Con el objeto de corregir las diferencias existentes entre las distintas regiones, se ha introducido este factor, de este modo, la longevidad es independiente de la zona donde se produce el dato.
- **El Año de Nacimiento de la Abuela Materna de la vacas,** se ha incluido para que la longevidad directa no se vea influida por este factor.

Una vez ajustados los datos por estos factores y junto a la información genealógica de los machos, se obtienen los valores genéticos de los toros expresados como riesgo relativo de desecho.

La heredabilidad utilizada en este análisis es de 0,091.

EVALUACIÓN DE DÍAS ABIERTOS

Los días abiertos a utilizar como dato en la evaluación se han calculado restando 282 días al intervalo entre partos. El intervalo entre partos debe estar entre 300 y 600 días y los valores de días abiertos superiores a 250 se fijan en 250. Para evitar un posible sesgo en las pruebas de los toros, se exige que el intervalo entre el parto y el último control del rebaño sea de al menos 600 días. Con ello se evita que la información de las hijas con menor intervalo entre partos esté disponible antes que la de las hijas con mayor intervalo entre partos.

Se ha utilizado un modelo animal multicarácter en el que se consideran los datos de

primeros partos de días abiertos y kg de leche a 120 días, así como los datos disponibles de angulosidad y condición corporal. Los modelos que se consideran en kg de leche y caracteres de tipo son similares a los descritos para las evaluaciones oficiales de esos caracteres. En el modelo de días abiertos se tienen en cuenta los siguientes factores no genéticos que influyen sobre las producciones:

- **Manejo:** Dentro de cada rebaño, comparamos entre sí a las vacas con manejo similar. De esta manera, se corrigen las diferencias en días abiertos debidas a cambios en el manejo del rebaño (como alimentación, alojamientos, etc.). Estos grupos de comparación se constituyen dentro de cada rebaño en función del año. Según el número de lactaciones disponibles en un rebaño y año, este se podrá subdividir o no según vacas importada o españolas y según época de parto de las vacas.
- **Edad al primer parto:** Al corregir este efecto es como si todas las vacas hubieran parido a la misma edad. Se realiza distinto ajuste según zona (Cornisa Cantábrica, incluyendo Galicia, Asturias, Cantabria y País Vasco, y resto de España), período y nivel de producción del rebaño en primer parto.
- **Mes de parto:** Al ajustar por este factor se están teniendo en cuenta las distintas condiciones que soporta un animal según su época de parto y es como si todas las vacas hubieran parido en el mismo mes. Se realiza distinto ajuste según zona (Cornisa Cantábrica y resto), período y nivel de producción del rebaño en primer parto.

Ajustando por estos factores no genéticos y teniendo en cuenta la información de los familiares, se obtienen los valores genéticos de los animales. Cuando el padre y/o madre no se conocen, se definen grupos de padres y/o madres desconocidos en función de su probable nivel genético, que se establece en función del sexo, origen y año de nacimiento de los hijos (grupos genéticos).

Las heredabilidades consideradas en el análisis han sido 0,04 para días abiertos; 0,27 para kg de leche a 120 días; 0,24 para angulosidad y 0,22 para condición corporal. Las correlaciones genéticas consideradas entre días abiertos y kg de leche a 120 días, angulosidad y condición corporal son, respectivamente, 0,52; 0,46 y -0,51.

Las pruebas se multiplican por -1 de forma que los mejores animales son los que tienen el valor genético más alto. Se presentan con una escala de media 100 y desviación típica 10, es decir, entre 70 y 130. A mayor valor de la prueba de un toro, menores días abiertos tendrán sus hijas debido a la genética, y, por lo tanto serán más fértiles. El valor de una desviación típica es de 10 días abiertos.

EVALUACIÓN DE VELOCIDAD DE ORDEÑO

La evaluación genética de Velocidad de Ordeño está basada en los datos del Control Lechero Oficial. El dato de velocidad de ordeño está tomado por el controlador en la primera lactación de cada animal, en el segundo control en la medida que es posible y en aquellas ganaderías que pueden ofrecer la información de Flujo de ordeño se recoge este dato. El controlador codifica la velocidad de ordeño en tres códigos:

- 1: Ordeño Rápido
- 2: Ordeño Normal
- 3: Ordeño Lento

Se utilizaron solo los datos recogidos a partir de 1995, en primera lactación, donde la edad al primer parto está entre 18 y 40 meses. El dato de velocidad de ordeño debe ser recogido entre 5 y 305 días después de la fecha del primer parto. No se incluyen las lactaciones de las vacas de registro auxiliar.

Se ha utilizado un modelo animal multicarácter que incluye los dos tipos de fenotipos recogido. Se tienen en cuenta los siguientes factores no genéticos:

- **Manejo:** Dentro de cada rebaño, comparamos entre sí a las vacas paridas en el mismo año.
- **Edad al primer parto:** Al corregir este efecto es como si todas las vacas hubieran parido a la misma edad.
- **Mes de parto:** al ajustar por este factor se están teniendo en cuenta las distintas con-

diciones que soporta el animal según su época de parto. Al considerar este efecto es como si todas las vacas hubieran parido en el mismo mes.

- **Días en lactación:** Los días en lactación en el momento de efectuar el control afecta al dato de velocidad de ordeño. Considerar este efecto en el modelo equivale a que todas las vacas hubieran sido controladas en el mismo intervalo de días en lactación. Los días en lactación han sido codificados en intervalos de 30 días desde la fecha del parto.

Ajustando por estos factores no genéticos y teniendo en cuenta la información de los familiares, se obtienen los valores genéticos de los animales. Cuando el padre y/o la madre no se conocen, se definen grupos de padres desconocidos en función de su probable nivel genético, que se establece en función del sexo, origen y año de nacimiento de los hijos (grupos genéticos).

La heredabilidad de velocidad de Ordeño fue estimada sobre una muestra de los datos. Es igual a 0,11.

Las pruebas obtenidas se multiplican por -1 de forma que los animales con valores altos son los animales que transmiten ordeños más rápidos. Posteriormente se transforman a una escala de media 100 y desviación típica 10, como todos los caracteres funcionales. A mayor valor de la prueba de un toro, más rápido es el ordeño de sus hijas debido a la genética. El valor de una desviación típica es de 0,094.

EVALUACIÓN DE FACILIDAD DE PARTO

Se ha utilizado la información de lactaciones válidas donde el padre del ternero es de raza frisona. Los datos de facilidad de parto se han codificado en 3 categorías:

- 1^a** recoge tanto los partos normales, en los que no se ha observado ninguna incidencia durante el parto como aquellos partos que han tenido una ligera dificultad y ha habido intervención humana aunque sin ésta, el parto se hubiera producido igualmente.
- 2^a** incluye aquellos partos en los que es imprescindible la intervención humana, es decir, contempla tanto a los partos difíciles como a los partos muy difíciles.

El carácter de facilidad de parto se ha evaluado mediante el método BLUP con las siguientes peculiaridades:

- Modelo Animal bicarácter (separando primer parto y posteriores) con efecto materno. Se valoran la facilidad de parto separando el efecto directo (ternero/a) y el efecto materno (madre).
- Se ha aplicado un modelo lineal utilizando la transformación de Snell para tres categorías (1,2 y 3+4) por cada grupo región-año.

Los factores no genéticos incluidos el modelo son:

Factores Fijos:

- **Rebaño-Año:** se ha tenido en cuenta la interacción entre el rebaño y año de parto. Incluyendo este efecto es como si todos los partos se produjeran en el mismo rebaño y año.
- **Lactación-edad:** para corregir las diferencias existentes entre el primer parto y los partos posteriores y la edad de la madre.
- **Sexo del ternero:** de este modo se tiene en cuenta la diferente envergadura y peso de los dos sexos al nacer.
- **Mes de parto:** al incluir este efecto es como si consideráramos que el mes de parto es estable.

Factores Aleatorios:

- **Vaca:** se incluye a la vaca como efecto aleatorio para limpiar de este efecto la incidencia en la facilidad al parto.

Una vez ajustados los datos por estos factores y junto a la información genealógica de los toros, se obtienen dos valores genéticos para facilidad de parto en primer parto para cada animal:

- **Efecto directo:** que mide la facilidad con la que nace la descendencia de un toro.
- **Efecto materno:** indica la facilidad con la que las hijas de un toro paren.

Estos valores genéticos se han multiplicado por -1 y posteriormente son transformados a una escala de media 100 y desviación típica 10 de modo que los mejores toros para ambos efectos son los que están por encima del valor 100 y los toros por debajo de 100 están por debajo de la media, siendo el 100 la media de las vacas nacidas 10 años al año de evaluación.

La Heredabilidad total utilizada en esta valoración es de 0,055 para el componente directo en primer parto y 0,027 para el componente materno en primer parto.

EVALUACIÓN GENÉTICA PARA SALUD PODAL

Datos: Se recogen las siguientes 7 patologías:

- **Dermatitis digital e interdigital**
- **Úlcera de suela**
- **Lesión de la línea blanca**
- **Flemón interdigital**
- **Hiperplasia interdigital**
- **Pared dorsal cóncava** (el signo clínico elegido por el grupo de expertos de salud podal para identificar un proceso de laminitis crónica)
- **Pezuña en tirabuzón** (se ha empezado a recoger en 2017, por eso no va ser evaluada por el momento)

Prevalencia de las lesiones podales:

Las tres lesiones podales más frecuentes en nuestras ganaderías son: Úlcera de suela, Dermatitis y Lesión de línea blanca. Casi el 35 % de las vacas que han pasado por el potro y registradas en la base de datos de salud podal han tenido al menos una lesión.

Cuadro 3. Prevalencia de lesiones podales en toda la población de vacas que han pasado por el potro		
Lesiones podales		Prevalencia (%)
Dermatitis	DE	10,77
Úlcera de suela	US	13,96
Línea blanca	LB	10,32
Pared dorsal cóncava	PDC	1,38
Hiperplasia interdigital	HP	0,55
Flemón interdigital	FI	1,06
Conjunto total de lesiones*	TOT	34,8

*Animales que hayan tenido una o varias lesiones

Factores considerados en el modelo de evaluación

Se utiliza un modelo animal en el que se tienen en cuenta los siguientes factores no genéticos que influyen en el hecho de registrar una lesión o no:

- **Rebaño-año-estación:** Dentro de cada rebaño comparamos entre sí a las vacas que han pasado por el potro en la misma estación y en el mismo año.
- **Podólogo:** El efecto del podólogo se introduce para tener en cuenta las diferencias de criterio que podrían ocurrir entre podólogos a la hora de identificar lesiones.
- **Número de lactación y edad en el momento de la visita del podólogo:** Al considerar este factor es como si todas las vacas hubieran pasado por el potro en la misma lactación y a la misma edad. Tanto la edad de la vaca como el número de lactación son unos factores de riesgo.
- **Estado de lactación en el momento de la visita del podólogo:** Equivaldría a que todas las vacas hubieran pasado por el potro en el mismo estado de lactación. Los días en leche tienen un efecto significativo sobre la ocurrencia de cada lesión.

Ajustando por estos factores y teniendo en cuenta la información de los familiares a través de la genealogía, se obtienen los valores genéticos de los animales.

Parámetros genéticos:

Las heredabilidades y las repetibilidades utilizadas en el análisis, son las que aparecen en el siguiente cuadro.

Cuadro 4. Parámetros genéticos utilizados en la evaluación genética de salud podal.		
Caracteres de salud podal	h ²	r
Dermatitis	0,06	0,11
Úlcera de suela	0,06	0,11
Línea blanca	0,02	0,07
Pared dorsal cóncava	0,02	0,22
Flemón interdigital	0,01	0,03
Hiperplasia interdigital	0,13	0,07

Las correlaciones genéticas entre las lesiones podales varían de -0,40 a 0,76 . Las correlaciones genéticas evidencian la existencia de dos grupos de lesiones. Las lesiones de origen infeccioso por un lado que son Dermatitis, Flemón interdigital e Hiperplasia interdigital y, por otro lado, las lesiones de origen no infeccioso que son Úlcera de suela, línea blanca y Pared dorsal cóncava.

Cuadro 5. Correlaciones genéticas entre las lesiones podales.

	Dermatitis	Úlcera de suela	Línea blanca	Pared dorsal cóncava	Flemón interdigital	Hiperplasia interdigital
Dermatitis	1,00	-0,04	-0,40	-0,25	0,20	0,33
Úlcera de suela		1,00	0,71	0,63	-0,03	0,09
Línea blanca			1,00	0,76	0,05	-0,03
Pared dorsal cóncava				1,00	0,10	-0,01
Flemón interdigital					1,00	0,41
Hiperplasia interdigital						1,00

Relación entre salud podal y conformación de patas y pies:

Las correlaciones genéticas entre los **caracteres de conformación** de patas y los **problemas podales** son en su mayoría bajas y negativas (ver Cuadro 6). Estas correlaciones no muestran una relación entre los dos tipos de parámetros a lo largo de toda la escala, pero hay evidencias de que los animales extremos en conformación pueden tener mayor o menor predisposición a tener ciertos problemas podales.

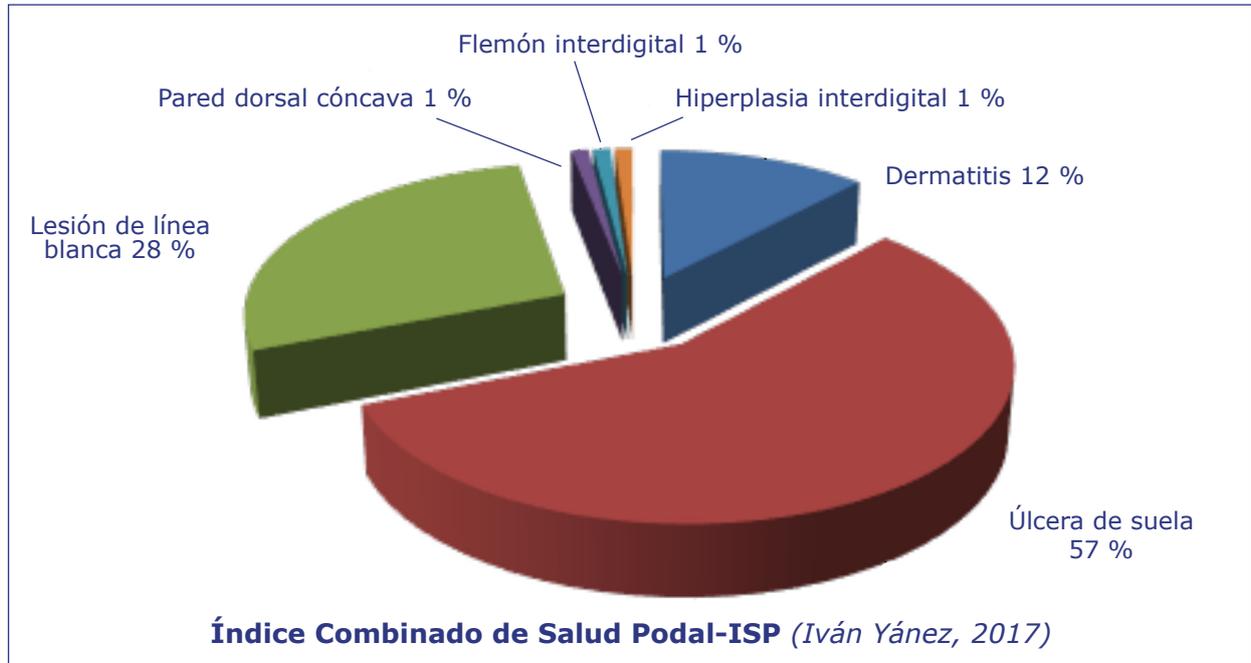
Cuadro 6. Correlaciones genéticas entre las lesiones podales y los caracteres de conformación de patas

	Miembros y Aplomos	Vista posterior de patas	Ángulo podal	Calidad de hueso	Movilidad
Dermatitis	-0,18	-0,20	0,23	-0,09	-0,25
Úlcera de Suela	-0,30	-0,10	0,15	-0,15	-0,31
Lesión Línea blanca	-0,24	-0,09	-0,16	-0,30	-0,22
Pared dorsal cóncava	-0,25	-0,12	-0,12	-0,02	-0,35
Flemón Interdigital	-0,26	-0,23	-0,11	-0,19	-0,32
Hiperplasia Interdigital	-0,11	-0,11	-0,04	-0,08	-0,11

Índice combinado de salud podal: ISP

Los parámetros genéticos de las lesiones podales en España y la importancia económica de las mismas, han permitido definir un índice de salud podal (ISP) que combina las lesiones podales.

Las ponderaciones relativas expresadas en porcentaje que adquieren los caracteres incluidos en el índice ISP se muestran en el siguiente gráfico.



Expresión de las pruebas genéticas:

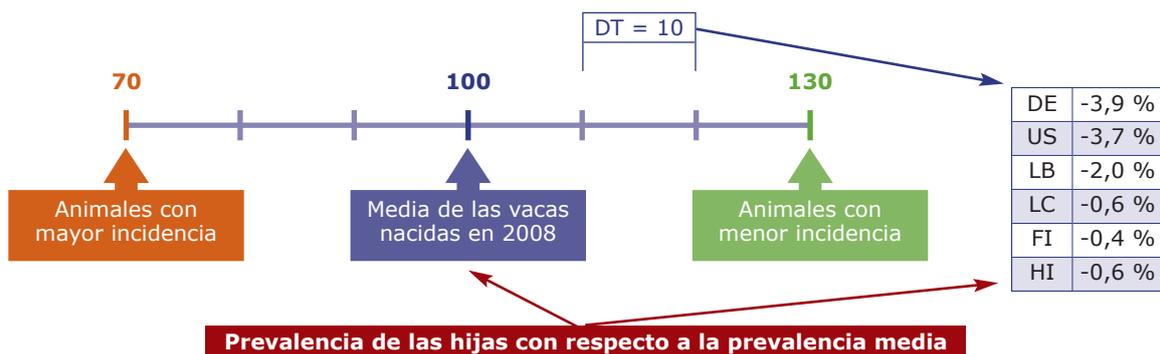
Para presentar los resultados, los índices genéticos de salud podal se estandarizan a una varianza común, la de los toros publicados en el catálogo, de tal manera que todos los caracteres se expresen con la misma escala de variación.

Las pruebas se publican multiplicadas por -1 de forma que los mejores animales son los que tienen el valor genético más alto. Se presentan con una escala de media 100 que corresponde a la media de las vacas nacidas en 2008, y desviación típica 10, es decir que el **95 % de los valores genéticos esta entre 70 y 130**.

En definitiva, a mayor valor de la prueba de un toro, menor riesgo de lesiones podales tendrán sus hijas debido a la genética.

Expresión de las pruebas de salud podal

Las pruebas se han cambiado de signo y se han transformado a una escala media 100 y desviación típica 10



EVALUACIÓN DE EMISIONES DE METANO

Se ha utilizado la información de emisiones de metano recogida desde el año 2018. El carácter evaluado es la concentración de metano residual. El carácter se ha evaluado mediante el método SSTPGBLUP con las siguientes peculiaridades:

- Modelo Animal
- Utiliza la información genealógica y genómica de acuerdo al siguiente modelo:

$$y = Xb + Z_u u + Z_p p + e$$

Donde:

- y** es el vector de fenotipos (concentración de metano),
- b** son los efectos fijos relacionados con la matriz de incidencia X,
- u** es el vector de efecto genético con matriz de incidencia Z_u , donde u se distribuye como $N(0, H\sigma_a^2)$, siendo H una matriz de relaciones basada en el pedigrí y la información genómica de acuerdo a Misztal *et al.* (2009), Aguilar *et al.* (2010) y Legarra *et al.* (2014).
- p** es el vector de efecto permanente
- e** es el vector de residuos que se distribuye como $N(0, I\sigma_e^2)$.

Los factores no genéticos incluidos el modelo son:

Factores Fijos:

- **Rebaño-semana-robot:** se ha tenido en cuenta la interacción entre el rebaño y año de parto. Incluyendo este efecto es como si todos los partos se produjeran en el mismo rebaño y año.
- **Nº de lactación:** para corregir las diferencias existentes entre el primer parto y los partos posteriores.
- **Días en leche:** para corregir las diferencias existentes entre el momento de la lactación en que se producen los datos.
- **Mes de parto:** para corregir las diferencias estacionales del momento del parto.

Factores Aleatorios:

- **Vaca -efecto permanente-:** se incluye a la vaca como efecto aleatorio para limpiar de este efecto la incidencia en las emisiones de metano.

Una vez ajustados los datos por estos factores y junto a la información genealógica y genómica de los animales, se obtienen los valores genéticos para emisiones de metano de cada animal. Estos valores genéticos se han multiplicado por -1 y posteriormente son transformados a una escala de media 100 y desviación típica 10 de modo que los mejores animales para ambos efectos son los que están por encima del valor 100 y los animales por debajo de 100 están por debajo de la media, siendo el 100 la media de las vacas nacidas 10 años al año de evaluación.

La Heredabilidad total utilizada en esta valoración es de 0,19 con una repetibilidad de 0,72.

Evaluaciones genómicas mensuales

Las evaluaciones genómicas mensuales se realizarán a partir de la estimación de los efectos de los SNPs que se determinará a partir de los valores genómicos combinados de la evaluación semestral.

ICO: ÍNDICE DE MÉRITO GENÉTICO TOTAL

El objetivo de la selección es obtener los animales que van a ser más rentables en las circunstancias económicas futuras. Con este fin, CONAFE, acordó en 1992 un índice de selección (ICO) que combina los valores genéticos de producción y tipo.

A partir de Junio de 2019 se aplican nuevos pesos en el cálculo del ICO, según lo aprobado por la Junta de Gobierno de CONAFE (11% kg de leche, 17% kg grasa, 21% kg proteína, 12% ICU, 8% IPP, 11% longevidad funcional, 8% recuento células somáticas, 8% días abiertos y 4% ISP), utilizando las desviaciones típicas de los toros publicados en el catálogo.

La nueva fórmula del ICO aparece en el Cuadro 7 y el cálculo de los índices sintéticos de tipo en el Cuadro 8.

En la expresión del ICO, las pruebas están divididas entre unos valores, que son las desviaciones típicas de los toros del catálogo para cada carácter.

Cuadro 7. Fórmula del ICO 2023

$$ICO_{2023} = 1000 + 1,5 * \left(11 * \frac{KL}{DT_{KL}} + 17 * \frac{KG}{DT_{KG}} + 21 * \frac{KP}{DT_{KP}} + 12 * \frac{ICU_{2019}}{DT_{ICU}} + 8 * \frac{IPP_{2019}}{DT_{IPP}} + 11 * \frac{(Longevidad-100)}{DT_{Long}} + 8 * \frac{(RCS-100)}{DT_{RCS}} + 8 * \frac{(DA-100)}{DT_{DA}} + 4 * \frac{(ISP-100)}{DT_{ISP}} \right)$$

Cuadro 8. Cálculo de los índices sintéticos de tipo*

$$CAR_{TR} = \frac{(- \text{abs}(\text{car})) + 1.80}{0.60} \quad VLP_{TR} = 2 - VLP^2$$

VLP	Media	DT	CPA	Media	DT	CPP	Media	DT	LP	Media	DT
	-0,80	0,61		-0,87	0,62		-0,83	0,62		-0,79	0,59

IPP = (0.52 * MA + 0.33 * VPP + 0.07 * AnP + 0.08 * VLP_{TR})/91

IGT = (0.11 * Angul + 0.035 * Pe + 0.06 * PC + 0.04 * Gr + 0.015 * AnG_{TR} + 0.06 * VPP + 0.04 * AnP + 0.02 * VLP_{TR} + 0.11 * Mov + 0.07 * IA + 0.10 * IP + 0.05 * Lig + 0.21 * PU + 0.03 * CPA_{TR} + 0.03 * CPP_{TR} + 0.02 * LP_{TR}) / 0.69

ICAP = (0.21 * Est + 0.19 * Pe + 0.57 * PC + 0.03 * Gr)/0.86

ICU = (0.23 * IA + 0.12 * IP + 0.20 * Lig + 0.24 * PU + 0.08 * CPA_{TR} + 0.10 * CPP_{TR} + 0.03 * LP_{TR})/0.80

* Abreviaturas definidas en la tabla de la última página

Cuadro 9. Nuevas desviaciones típicas

DT_{KL} = 793; DT_{KG} = 28; DT_{KP} = 25; DT_{ICU} = 1; DT_{ICAP} = 1; DT_{IPP} = 1; DT_{Long} = 10; DT_{RCS} = 10; DT_{DA} = 10; DT_{DCE} = 10; DT_{ISP} = 8,3; DT_{VOR} = 10; DT_{MET} = 10

PERCENTILES Y VALORES MÁXIMOS Y MÍNIMOS PARA LOS TOROS

Los valores genéticos de los toros tienen distintos rangos para cada carácter. Sobre cada toro, nos interesa saber lo superior o inferior que es en cada carácter respecto al resto de los toros evaluados. Esta información nos la dan los percentiles, cuyo valor oscila entre 1 y 99. Que un toro tenga un percentil 99 en un carácter, indica que en ese carácter el 99% de los toros evaluados tienen un valor inferior a él y, por lo tanto, este toro se encuentra entre el mejor 1% para el carácter.

ÍNDICES DE MÉRITO ECONÓMICO IMET

Con las evaluaciones de junio de 2019 se comenzaron a publicar cuatro índices de mérito económico enfocados a producción de **leche** líquida, de **queso**, explotaciones que realizan **pastoreo** o ganaderías acogidas al reglamento de producción **ecológica**. Estos índices incluyen además de los caracteres del ICO, Velocidad de Ordeño, Facilidad de Parto, ICAP como aproximación del peso vivo del animal y Metano.

Cuadro 10. Índices de mérito económico total: IMET

$$IMET_{Leche} = 100 + 0.16 * \left(28 * \frac{KL}{DT_{KL}} + 9 * \frac{KG}{DT_{KG}} + 16 * \frac{KP}{DT_{KP}} + 6 * \frac{ICU_{2019}}{DT_{ICU}} + 4 * \frac{IPP_{2019}}{DT_{IPP}} + 13 * \frac{(Long - 100)}{DT_{Long}} + 5 * \frac{(RCS - 100)}{DT_{RCS}} + 6 * \frac{(DA - 100)}{DT_{DA}} + 3 * \frac{(VOR - 100)}{DT_{VOR}} + 1 * \frac{(ISP - 100)}{DT_{ISP}} - 4 * \frac{ICAP}{DT_{ICAP}} + 3 * \frac{(FPM - 100)}{DT_{FPM}} + 2 * \frac{(MET - 100)}{DT_{MET}} \right)$$

$$IMET_{Queso} = 100 + 0.16 * \left(33 * \frac{KG}{DT_{KG}} + 20 * \frac{KP}{DT_{KP}} + 5 * \frac{ICU_{2019}}{DT_{ICU}} + 3 * \frac{IPP_{2019}}{DT_{IPP}} + 11 * \frac{(Long - 100)}{DT_{Long}} + 6 * \frac{(RCS - 100)}{DT_{RCS}} + 9 * \frac{(DA - 100)}{DT_{DA}} + 3 * \frac{(VOR - 100)}{DT_{VOR}} + 2 * \frac{(ISP - 100)}{DT_{ISP}} - 4 * \frac{ICAP}{DT_{ICAP}} + 2 * \frac{(FPM - 100)}{DT_{FPM}} + 2 * \frac{(MET - 100)}{DT_{MET}} \right)$$

$$IMET_{Pasto} = 100 + 0.19 * \left(20 * \frac{KL}{DT_{KL}} + 6 * \frac{KG}{DT_{KG}} + 8 * \frac{KP}{DT_{KP}} + 5 * \frac{ICU_{2019}}{DT_{ICU}} + 8 * \frac{IPP_{2019}}{DT_{IPP}} + 15 * \frac{(Long - 100)}{DT_{Long}} + 6 * \frac{(RCS - 100)}{DT_{RCS}} + 8 * \frac{(DA - 100)}{DT_{DA}} + 4 * \frac{(VOR - 100)}{DT_{VOR}} + 3 * \frac{(ISP - 100)}{DT_{ISP}} - 7 * \frac{ICAP}{DT_{ICAP}} + 6 * \frac{(FPM - 100)}{DT_{FPM}} + 4 * \frac{(MET - 100)}{DT_{MET}} \right)$$

$$IMET_{Eco} = 100 + 0.2 * \left(14 * \frac{KL}{DT_{KL}} + 4 * \frac{KG}{DT_{KG}} + 3 * \frac{KP}{DT_{KP}} + 6 * \frac{ICU_{2019}}{DT_{ICU}} + 9 * \frac{IPP_{2019}}{DT_{IPP}} + 19 * \frac{(Long - 100)}{DT_{Long}} + 7 * \frac{(RCS - 100)}{DT_{RCS}} + 10 * \frac{(DA - 100)}{DT_{DA}} + 4 * \frac{(VOR - 100)}{DT_{VOR}} + 3 * \frac{(ISP - 100)}{DT_{ISP}} - 5 * \frac{ICAP}{DT_{ICAP}} + 8 * \frac{(FPM - 100)}{DT_{FPM}} + 8 * \frac{(MET - 100)}{DT_{MET}} \right)$$

	Término	Abreviatura CORTA	Abreviatura LARGA
PRODUCCIÓN	Kilos de Grasa	KG	Kg Grasa
	Kilos de Leche	KL	Kg Leche
	Kilos de Proteína	KP	Kg Proteína
	Porcentaje de Grasa	Ppg	% Grasa
	Porcentaje de Proteína	Ppp	% Proteína
	Producción Vitalicia	PVit	Prod. Vit.
TIPO	Anchura de Grupa	Gr	Anc. Grupa
	Anchura de Pecho	Pe	Pecho
	Anchura Posterior Ubre	APU	Anc. Post. Ubre
	Ángulo de Grupa	AnG	Ang. Grupa
	Ángulo Podal	AnP	Ang. Podal
	Angulosidad	Angul	Angulosidad
	Calidad de Hueso	CH	Cal. Hueso
	Calificación Final	CF	CF
	Colocación de Pezones Anteriores	CPA	Col. Pez. Ant.
	Colocación de Pezones Posteriores	CPP	Col. Pez. Post.
	Condición Corporal	CC	Cond. Corp.
	Estatura	Est	Estatura
	Fortaleza del Lomo	Lomo	Fort. Lomo
	Inserción Anterior	IA	Ins. Anterior
	Inserción Posterior	IP	Ins. Posterior
	Ligamento	Lig	Ligamento
	Longitud de Pezones	LP	Long. Pez.
	Miembros y Aplomos	MA	MA
	Movilidad	Mov	Movilidad
	Profundidad Corporal	PC	Prof. Corporal
	Profundidad de Ubre	PU	Prof. Ubre
	Tercio Anterior	TA	Terc. Ant.
Textura de Ubre	TU	Text. Ubre	
Vista lateral de patas	VLP	Vist. Lat. Patas	
Vista posterior de patas	VPP	Vist. Post. Patas	
FUNCIONALES Y REPRODUCTIVOS	Días Abiertos	DA	Días Abiertos
	Facilidad de Parto Directa	FPD	F. Parto Dir.
	Facilidad de Parto Materna	FPM	F. Parto Mat.
	Intervalo Parto a Primera Inseminación	IP1	Int. Par. IA1
	Intervalo Primera a Última Inseminación	IPU	Int. IA1 Ult.
	Longevidad	Long	Longevidad
	Metano	MET	Metano
	Recuento de Células Somáticas	RCS	RCS
	Tasa de Preñez	TP	Tasa Pre.
Velocidad de Ordeño	VOR	Vel. Ord.	
ÍNDICES DE SELECCIÓN	Índice Combinado	ICO	ICO
	Índice Compuesto de Ubre	ICU	ICU
	Índice de Capacidad	ICAP	ICAP
	Índice de Mérito Económico Total (Eco)	IM€TE	IM€TEco
	Índice de Mérito Económico Total (Leche)	IM€TL	IM€TLeche
	Índice de Mérito Económico Total (Pasto)	IM€TP	IM€TPasto
	Índice de Mérito Económico Total (Queso)	IM€TQ	IM€TQueso
	Índice de Pies y Patas	IPP	IPP
	Índice de Salud Podal	ISP	ISP
	Índice Global de Tipo	IGT	IGT
	Puntos ICO que dependen de caracteres de Producción de leche	ICOP	ICOP
Puntos ICO que dependen de caracteres Funcionales y de Tipo	ICOT	ICOT	
OTROS TÉRMINOS	Fiabilidad	Fcarácter	Fiabilidad
	Fiabilidad Producción	fip	
	Fiabilidad Tipo	fit	
	Índice de Pedigrí	PED	Pedigrí
	Índices de Pedigrí (año y mes)	PEDaamm	
	Índices Genéticos españoles (año y mes)	ESPaamm	
	Índices Genéticos Interbull (año y mes)	ITBaamm	
	Índices Genómicos españoles (año y mes)	GENaamm	
	Índices Genómicos Interbull (año y mes)	ITGaamm	
	Porcentaje de Consanguinidad	Cons	Consanguinidad
	Tipo de Prueba Genética	TPG	
Valor Genómico Combinado	G	G	
Valor Genómico Directo	VGD	VGD	